SEQUENCE LISTING

<110>	Byrd, Devon	
	Young, Alice	
	Hartley, James	
<120>	Compositions and Methods for Molecular Biology	
<130>	0942.5230001	
<150>	60/266,846	
<151>	2001-02-07	
<160>	25	
<170>	PatentIn version 3.1	
<210>	1	
<211>	23	
<212>	DNA	
<213>	Escherichia coli	
<400>	1 tatg ttgtaactaa agt	23
auccag	tary tryitaritar agt	23
<210>	2	
<211>	23	
<212>	DNA	
<213>	Escherichia coli	
<400>	2 tatg ttgtaactaa agt	23
9	wye	23

	-2-	
<210>	3	
<211>	23	
<212>	DNA	
<213>	Escherichia coli	
<400>	3 gatg ttgtaactaa tat	23
acacag	gaty ttytaattaa tat	23
<210>	4	
<211>	23	
<212>	DNA	
<213>	Escherichia coli	
<400>	4 tatg ttgtaactaa atg	23
		2.5
<210>	5	
<211>	21	
<212>	DNA	
<213>	Escherichia coli	
<400> ttaaag	5 Eatg ttgtaactaa g	21
	6	
	23	
	DNA	
<213>	Escherichia coli	
<400>	6	
	catg ttgtaacgac gat	23
<210>	7	
	23	
<212>	DNA	

<213> Escherichia coli

<400> gatgag	7 tatg ttgtaactaa cta	23
<210>	8	
<211>	23	
<212>	DNA	
<213>	Salmonella typhimurium	
<400> attaag	8 tatg ttgtaactaa agc	23
<210>	9	
<211>	23	
<212>	DNA	
<213>	Salmonella typhimurium	
<400>	0	
	tatg ttgtaactaa atg	23
	tatg ttgtaactaa atg	23
gatgag	tatg ttgtaactaa atg	23
gatgag <210>	tatg ttgtaactaa atg 10 23	23
gatgag <210> <211> <212>	tatg ttgtaactaa atg 10 23	23
gatgag <210> <211> <212>	tatg ttgtaactaa atg 10 23 DNA	23
gatgag <210> <211> <212>	tatg ttgtaactaa atg 10 23 DNA	23
<pre>gatgag <210> <211> <212> <213></pre>	tatg ttgtaactaa atg 10 23 DNA	23
<pre>gatgag <210> <211> <212> <213> <223> <400></pre>	10 23 DNA Artificial Sequence Replication terminator sequence R6KterR1	23
<pre>gatgag <210> <211> <212> <213> <223> <400></pre>	10 23 DNA Artificial Sequence Replication terminator sequence R6KterR1 10 tgtg ttgtaactaa atc	
gatgag <210> <211> <212> <213> <220> <223> <400> ctottg	10 23 DNA Artificial Sequence Replication terminator sequence R6KterR1 10 tgtg ttgtaactaa atc	
gatgag <210> <211> <211> <212> <213> <220> <223> <400> ctottg <210>	10 23 DNA Artificial Sequence Replication terminator sequence R6KterR1 10 tgtg ttgtaactaa atc 11 23	

<220>		
<223>	Replication termination sequence R6KterR2	
<400> ctatto	11 gagtg ttgtaactac tag	23
<210>	12	
<211>	23	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Replication termination sequence R100 TerR1	
<400> attatg	12 aatg ttgtaactac ttc	23
<210>	13	
<211>	23	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Replication termination sequence R100TerR2	
<400> tgtctg	13 agtg ttgtaactaa agc	23
<210>	14	
<211>	23	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Replication termination sequence RlTerRl	
<400> attatga	14 Natg ttgtaactac atc	23

```
<210> 15
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> Replication termination sequence R1TerR2
<400> 15
tttttgtgtg ttgtaactaa att
                                                                     23
<210> 16
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> Replication termination sequence RepFICTerR1
<400> 16
attatgaatg ttgtaactac att
                                                                     23
<210> 17
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> Replication termination sequence St90kbTer
<400> 17
attttggatg ttgtaactat ttg
                                                                    23
<210> 18
<211> 30
<212> DNA
<213> Bacillus atrophaeus
```

<400> gaacta	18 aata aactatgtac caaatgttca	30
<210>	19	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Bacillus atrophaeus	
	19 aaaa cactatgtac taaatattca	30
<210>	20	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Bacillus mojavensis	
<400> gaacaa	20 aaca aactatgtac caaatgttca	30
<210>	21	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Bacillus mojavensis	
<400>	21	
aaactg	agaa tactatgtac taaatattca	30
<210>	22	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Bacillus vallismortis	
<400>	22	
atacta	aaaa tatgatgtac taaatattca	30
<210>	23	

<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Bacillus amyloliquefaciens	
<400>	23 atta ttocatgtac taaatattot	30
caucua	acta coologean territoria	
<210>	24	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Bacillus subtilis 168	
<400>	24 atta aactatgtac taaattttca	30
yaacta	acta aactacycae tadacettou	
<210>	25	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Bacillus subtilis 168	
<400>	25 attq atocatgtac taaattttca	30
acacta	acty accounts tadactered	